



**Az Országos Onkológiai Intézet
Norvég Finanszírozási mechanizmus keretében elnyert
Kutatás Fejlesztési Pályázata**

**„Közös stratégia kifejlesztése molekuláris módszerek alkalmazásával
a rák kezelésére Magyarországon és Norvégiában”**

HU 0115/NA/2008-3/ÖP-9

Az Országos Onkológiai Intézet Norvég partnerek bevonásával közös kutatási pályázatot nyújtott be „Közös stratégia kifejlesztése molekuláris módszerek alkalmazásával a rák kezelésére Magyarországon és Norvégiában” címmel. A pályázatot az Intézet elnyerte és 1,6 millió EUR támogatásban részesült.

A Norvég Alap támogatásával végzett vizsgálatok egyik fő célkitűzése a Magyarországon gyakori daganatos megbetegedések családi halmozódást mutató, illetve örökletes formáinak jobb megismerése, azzal a céllal, hogy új ismereteket szerezzünk a genetikailag determinált daganatokról, hazai előfordulásukról, valamint a rák genetikai fogékonyság molekuláris alapjairól. A rák iránti genetikai hajlam meghatározásával olyan célpopuláció azonosítására nyílik lehetőség, amely alapján a rákkockázat becslését, annak megelőzését és ezáltal a daganatos halálozás csökkentését érhetjük el.

Az Országos Onkológiai Intézetben komprehenzív genetikai szolgáltatást kínálunk fel a potenciálisan nagy genetikai kockázattal élő egyéneknek, családtagjaiknak és fiatal korú daganatos betegeknek. A genetikai szolgáltatás célja a preszimptomás kockázatbecslés, a genetikai tesztek hozzáférhetőségének biztosítása. Emlő és vastagbél rák esetében az örökletes daganatok 5-10 %-os gyakorisággal fordulnak elő a magyarországi populációban. Az érintett családok részére óriási terhet jelent ez a genetikai örökség, mivel a betegség a fiatal felnőtteket és családjukat sújtja. A Norvég Alap támogatásával 237 **emlődaganat**-gyanús betegen és családtagjaikon végeztük el a **BRCA1, BRCA2** gén mutációk azonosítását. Az **örökletes vastagbélrák** megjelenésével járó daganatszindrómák közül 62 Lynch szindrómás beteg genetikai (HNPCC) hátterét vizsgáltuk. Fontos új megállapításunk, hogy az EPCAM/ TACSTD1 gén örökölt nagy deléciójának kiemelt szerepe lehet a szindróma kialakulásában.

Ezen eredményekre alapozva egy integrált módszert javasolunk a Lynch szindróma gének szekvencia-variánsainak jellemzésére és az új genetikai teszt bevezetésére az Országos Onkológiai Intézetben.

A nagy genetikai kockázattal élők számára az Országos Onkológiai Intézet genetikai szolgáltatást biztosít, amely elősegíti az egyénre szabott prevenciót és az örökletes daganatos betegek terápiájának megtervezését.